



Identifiquen noves mutacions genètiques vinculades a la leucèmia

GIRONA | **EFE/DdG**

■ Una investigació duta a terme al Centre de Regulació Genòmica (CRG) de Barcelona ha identificat les funcions dels gens i les seves mutacions relacionades amb la leucèmia, la qual cosa obre la porta a millorar la capacitat de predicció sobre el moment més adequat per iniciar el tractament.

Segons va informar el CRG, la feina, publicat en la revista científica «Genome Research», va estar liderat pel doctor Roderic Guigó, en el marc del Consorci del Genoma de la Leucèmia Limfàtica Crònica, que ja havia aconseguit anteriorment identificar les principals mutacions implicades en el desenvolupament de la malaltia.

No obstant això, el seu perfil funcional, és a dir l'activitat d'aquests gens mutats, no s'havia estudiat. Ara, els investigadors han seqüenciat la part funcional del genoma, l'ARN, de les cèl·lules leucèmiques i de diverses poblacions de limfòcits B sans en 98 pacients. Els científics van trobar que hi ha milers de gens que s'expressen de forma diferenciada en cèl·lules leucèmiques en comparació als limfòcits B sans, i que les seves funcions són també molt diferents.

Particularment, les cèl·lules de la leucèmia tenen una gran expressió de gens relacionats amb algunes vies metabòliques que les fan més actives.

Observant aquestes diferències, els investigadors han identificat també clarament dos subgrups de pacients amb un comportament diferent de la malaltia, de manera que un grup de pacients no necessita tractament durant molt temps, mentre que altres ho necessitaran més ràpidament.

També van observar que l'origen d'aquests dos subgrups podria trobar-se en els senyals activadores que reben les cèl·lules leucèmiques en els ganglis limfàtics.

«Gràcies a l'estudi funcional del genoma hem identificat dos subgrups clars entre els malalts i hem comprovat que l'agressivitat de la malaltia és diferent en els dos grups», va explicar Guigó.