



Científics catalans creen un mapa amb les diferències genètiques

BARCELONA | EFE/DdG

■ Científics europeus, entre els quals n'hi ha de catalans, van publicar ahir l'estudi més gran fet fins ara sobre la variació genètica en poblacions humanes gràcies a la seqüenciació de l'àcid ribonucleid (ARN), un avanç que pot explicar les diferències genètiques que fan més o menys susceptibles les persones de contraure determinades malalties. Aquest estudi, que s'emmarca en el projecte *Genetic European Variation in Health and Disease* coordinat per Xavier Estivill, cap de grup al Centre de Regulació Genòmica (CRG) de Barcelona, presenta les causes genètiques de les diferències entre individus.

El mapa, que ha estat liderat per investigadors de la Facultat de Medicina a la Universitat de Ginebra i que s'ha publicat a les revistes *Nature* i *Nature Biotechnology*, ofereix el conjunt més gran de dades mai presentat fins ara que enllacen la informació del genoma humà (ADN) amb l'activitat funcional d'aquests gens de l'ARN.

L'estudi l'han fet 50 científics de nou centres d'investigació europeus, com el CRG, el Centre Nacional d'Anàlisi Genòmic de Barcelona i la Universitat de Santiago de Compostel·la. Comprendre com el genoma de cadascun pot fer-nos més o menys susceptibles de patir una malaltia és un dels grans reptes científics i per això els genetistes estudien com els diferents perfils genètics influeixen en què determinats gens s'activin o desactivin en cada un, fet que podria ser la causa de moltes malalties genètiques.