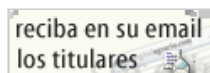
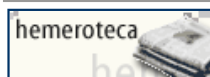


- Secciones
- [Portada](#)
 - [Opinión](#)
 - [Política](#)
 - [Laboral](#)
 - [Cultivos](#)
 - [Ganadería](#)
 - [Agroalimentación](#)
 - [Gestión hídrica](#)
 - [Desarrollo rural](#)
 - [Forestal](#)
 - [Medio ambiente](#)
 - [Caza](#)
 - [Turismo rural](#)
 - [I+D](#)
 - [Empresa](#)
 - [Maquinaria](#)
 - [Certámenes](#)



Regiones Hoy

 Enviar por correo Imprimir

Analizado el uno por ciento del total de genoma del cerdo ibérico

Científicos españoles han logrado por primera vez la secuenciación de parte del genoma del ibérico, según recoge la revista EUROPA CORK.

Redacción • 05/05/2011 0:00:01

Un equipo de científicos españoles ha logrado, por primera vez, la secuenciación de parte del genoma del cerdo ibérico, una investigación con la que se pretende identificar las características propias de este animal frente a las de otros linajes porcinos.

En concreto, expertos de la Universidad Autónoma de Barcelona (UAB), del centro de Regulación Genómica (CRG) de Barcelona y del Instituto Nacional de Investigación y Tecnología Agraria y Alimentaria (INIA) de Madrid han logrado secuenciar y analizar un uno por ciento del total del genoma.

Las mismas fuentes señalaron que los equipos de la UAB y de la INIA han empleado estos animales en numerosos experimentos para identificar la base genética de la calidad de la carne en el cerdo ibérico, y se espera que su secuencia completa dé pistas sobre estos y otros caracteres.

Secuenciación

La primera secuenciación de porcino corresponde a una hembra de la estirpe Guadyervas, una línea que se ha mantenido aislada desde 1945 en una finca experimental de la Junta de Castilla-La Mancha en Oropesa (Toledo).

La UAB informó en un comunicado que la línea Guayerbas es una de las pocas estirpes originales de cerdo ibérico que se mantienen en España, y se caracterizan por tener un crecimiento lento, ser muy grasos, de poco pelo y de capanegra.

Identificar la base genética

El trabajo, coordinado por el investigador Miguel Pérez-Enciso, ha sido publicado en la revista 'Heredity'. La intención de la investigación es identificar la base genética de la calidad de la carne en el cerdo ibérico, lo que ofrecerá pistas sobre qué genes son más importantes en esta especie.

Los resultados preliminares de la investigación apuntan a que, el animal secuenciado es muy consanguíneo, porque el rebaño se ha mantenido aislado durante más de 50 años, por lo que sería esperable que fuera muy 'homogéneo' y presentara muy poca variabilidad.

Sin embargo, los datos de la secuencia de esta cerda han desvelado que su variabilidad es mucho más elevada de lo esperado. A pesar de su alta consanguinidad, se ha observado una diversidad que representa aproximadamente a la mitad de la existente en todas las poblaciones europeas.

El hallazgo es importante desde el punto de vista de la conservación, ya que demuestra que el cerdo ibérico es muy representativo de las poblaciones europeas de estos animales.

No obstante, también existen regiones del genoma mucho más uniformes, sin variabilidad, como la del cromosoma sexual (X). Entre las regiones de mayor variabilidad se encuentran las relacionadas con el sistema olfativo e inmunitario. El estudio de las regiones con diferencias más elevadas entre el cerdo blanco y el ibérico permitirá descubrir a los investigadores y a los criadores porqué el cerdo ibérico tiene características tan especiales que lo hacen único genéticamente.

Ver comentarios (0 comentarios) / Añadir comentario

[| Nosotros](#) | [Contactar](#) |

Hoy es: 5.05.11

 Última actualización:
05.05.11 - 9:29:37

 A la Cruz del
Mérito Agrícola