

Investigadores de la UAB publican una secuencia del genoma del cerdo ibérico

Investigadores de la Facultad de Veterinaria de la Universidad Autónoma de Barcelona (UAB) en colaboración con otros organismos han publicado la primera secuencia parcial del genoma de un cerdo ibérico.

18/03/2011 (Noticia leída 177 veces)

EFE.- Los científicos, utilizando las nuevas técnicas de secuenciación de alto rendimiento, han analizado un 1% del total del genoma, y se da la circunstancia de que es la primera secuencia de porcino que se publica, según ha informado la UAB en un comunicado.

El animal secuenciado es una hembra de la estirpe Guadyerbas, una línea muy particular que se ha mantenido aislada y pura en una finca experimental de la Junta de Castilla-la Mancha en Oropesa, en Toledo, desde 1945, gracias a los esfuerzos de investigadores del Instituto Nacional de Investigación y Tecnología Agraria y Alimentaria (INIA), que también ha participado en el trabajo.

La línea Guadyerbas es una de las pocas estirpes originales de cerdo ibérico que se mantienen en nuestro país, y son animales muy comedores, de crecimiento lento, muy grasos, de poco pelo y de capa negra.

Las mismas fuentes señalan que los equipos de la UAB y de la INIA han empleado estos animales en numerosos experimentos para identificar la base genética de la calidad de la carne en el cerdo ibérico, y se espera que su secuencia completa dará pistas sobre estos y otros caracteres.

El animal secuenciado es muy consanguíneo porque el rebaño se ha mantenido aislado durante más de 50 años, por lo que se esperaba que fuera muy homogéneo y presentara muy poca variabilidad, pero ha sorprendido que la variabilidad de esta línea es mucho más elevada de lo que se esperaba.

Los expertos han detectado que a pesar de su alta consanguinidad, se observa una diversidad que representa aproximadamente la mitad de la existente en todas las poblaciones europeas, lo que es importante desde el punto de vista de la conservación, ya que demuestra que el cerdo ibérico es muy representativo de las poblaciones europeas.

También hay regiones del genoma mucho más uniformes, sin variabilidad, como el cromosoma sexual (X), que es mucho más uniforme del que predice la teoría.

Desde la UAB se ha destacado que la comparación entre regiones de alta y de baja variabilidad informará sobre cuales son los genes más importantes para el cerdo ibérico, y que el estudio de las regiones con diferencias más elevadas entre el cerdo blanco y el ibérico permitirá saber por qué un cerdo ibérico tiene las características especiales que lo hacen único desde un punto de vista genético.

En este trabajo han participado además de la UAB y la INIA el Centro de Investigación en Agrogenómica (CRAG), el Centro de Regulación Genómica (CRG), de Barcelona.

- **Investigadores de la UAB publican una secuencia del genoma del cerdo ibérico.**
- **Un incendio causa la muerte de más de 650 cerdos en una granja de Torregrossa (Cataluña).**
- **España, el segundo país que más usó las ayudas al almacenamiento de porcino.**
- **El porcino continúa al alza y marzo arranca con precios un 11 % más altos.**
- **España amplía en 732 toneladas su solicitud para almacenar carne de porcino.**